



# Моделирование структуры подвижных участков белка с помощью GPU-ускоренной метадинамики с коллективными переменными на основе вариационных автоэнкодеров

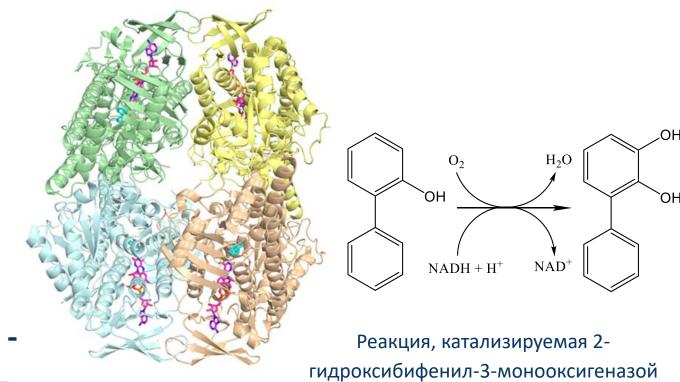
<u>К.Е. Копылов</u>\*, Е.М. Кирилин\*≠, В.К. Швядас\*§

НИВЦ<sup>\*</sup>, НИИ ФХБ имени А.Н. Белозерского<sup>≠</sup> и факультет биоинженерии и биоинформатики<sup>§</sup>

МГУ имени М.В. Ломоносова, Москва, Россия

# 2-гидроксибифенил-3-монооксигеназа

- FAD и NADH-зависимый фермент
- Перспективный катализатор для фармацевтической промышленности
- Отсутствует полноатомная структура активного центра не разрешены петли Туг256lle266 и Arg228-Val236

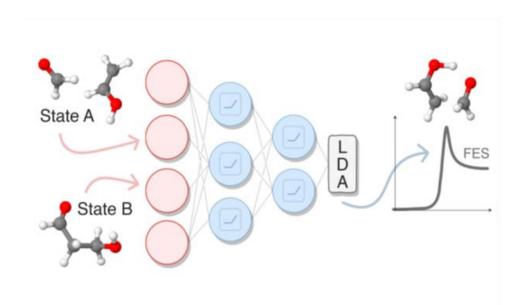


Структура тетрамера 2гидроксибифенил-3-монооксигеназы



# Метадинамика с нейросетевой CV

- Вариант молекулярной динамики с расширенным сэмплированием
- Исследование поверхности потенциальной энергии (ППЭ) в координатах «коллективных переменных» (collective variables, CV), в том числе дифференцируемых сложных функций, таких как нейронные сети
- В пространстве выходов добавляется энергия в виде гауссианов – действует на исходное пространство с помощью обратного распространения

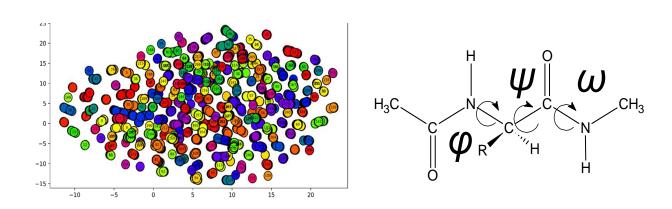


Bonati L., Rizzi V., Parrinello M. Data-driven collective variables for enhanced sampling // The journal of physical chemistry letters.

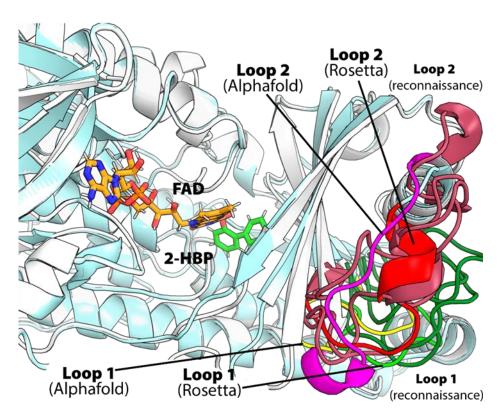
ACS Publications, 2020. Vol. 11, № 8. P. 2998–3004.

### Датасет

- Всего ~30 000 структур (Alphafold,Rosetta, разведывательная метадинамика)
- 24 остатка, для каждого двугранные углы  $\phi$  и  $\psi$  (48 всего)



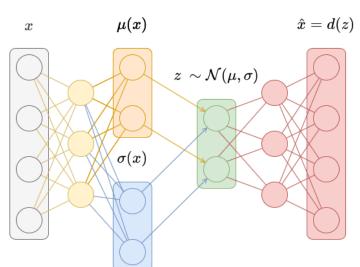
Визуализация датасета двугранных углов участков HbpA с помощью UMAP с раскраской по HDBSCAN

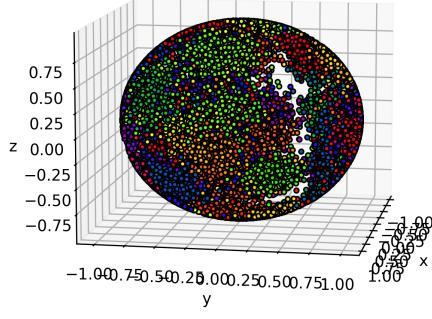


Положение подвижных участков в разных структурах датасета

# Нейросетевая модель

- Описано применение вариационных автоэнкодеров для понижения размерности третичных структур белков
- С учетом периодичности данных выбран гиперсферический вариационный автоэнкодер (распределение фон Мизеса-Фишера на многомерной сфере)
- Размерность входов и выходов 48 двугранных углов
- Размерность латентного пространства 3
- Loss = cosine distance + 0,5 KL divergence





Отображение датасета структур НbpA на трёхмерное латентное пространство с помощью гиперсферического VAE

Структура слоёв вариационного автоэнкодера

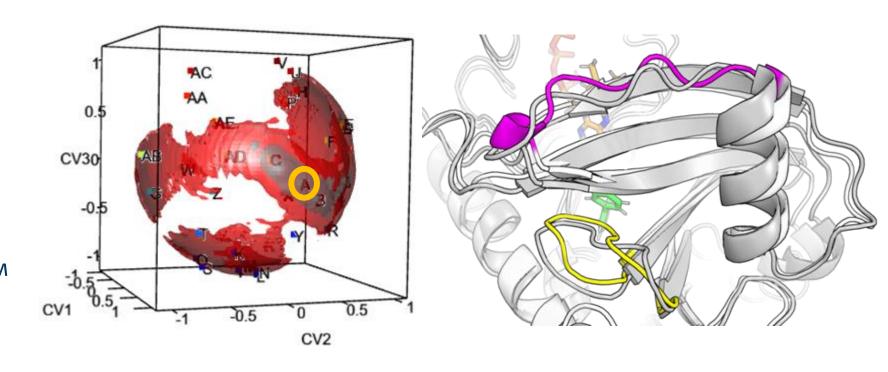
[https://avandekleut.github.io/vae/]



### Результаты

 Метадинамика с гиперсферическим вариационным автоэнкодером показала минимум потенциальной энергии, близкий к структурам, предсказанным Alphafold

• Разница со следующим классом минимумов (из молекулярной динамики) - порядка 15 ккал/моль



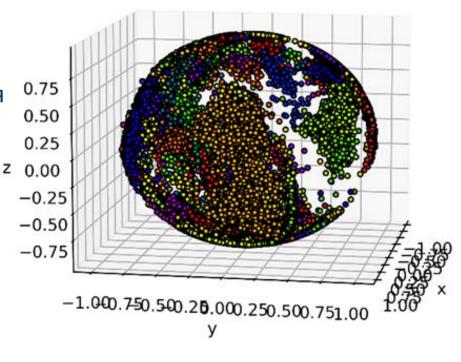
Изоповерхность потенциальной энергии метадинамики с гиперсферическим ВАЭ на уровнях -140 (голубой) и -110 кДж/моль (красный).

Серый - оптимальная структура (минимум "A") Цветной - предсказание Alphafold

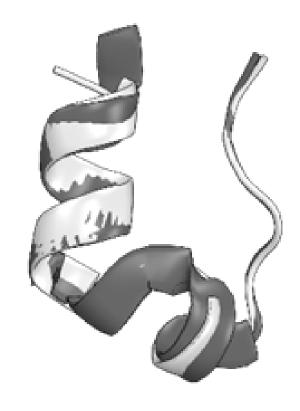


#### Валидация

- Белок Trp-Cage распространённая модель для молекулярно-динамического фолдинга
- 20 остатков, для каждого углы фиψ → 38 входов VAE
  - $\Rightarrow$  38 входов VAE
- Минимум на поверхности потенциальной энергии соответствует структуре, сходной с литературными данными и структурами ЯМР из банка данных PDB



Отображение датасета Trp-Cage с помощью гиперсферического VAE



Белый- оптимальная структура из метадинамики (минимум "A") Серый - структура ЯМР из PDB 1L2Y